

アプリケーション:全ゲノムシーケンス、RNAシーケンス

メチル化解析、メタゲノム解析、アイソフォーム解析

デ ー タ 量: 90Gb (インサート長 15-20 kbのライブラリーの場合)

■ PacBio Revioを増設いたしました。 皆様の日頃のご支援の御礼として、ロングリード シーケンス受託解析で秋冬限定の特別割引キャン ペーンを実施します。

この機会をお見逃しなく!!



■ロングリードシーケンスの特徴

- 数万塩基の長さを持つ HiFi リードによって、従来では難しい高い GC 領域、ゲノム中の反復配列、構造多型やタン デムリピート伸長など広い領域のバリアント情報の取得が可能。
- 後々の解析に使うための DNA のメチル化を塩基対 レベルで同定できます。
- ・ 詳細な情報のカイネティックデータ取得サービスも行なっております。

新発見につながる解析が期待できます!!

■受託の要件

【PacBio ロングリードサンプル詳細】

- 高品質ゲノムDNA(1検体あたり約20kb以上)(ライブラリの電気泳動図の共有をお願い致します)
- Qubit測定値 総量: > 5 μg
- 濃度: 100 ng/uL以上
- · 液量: 50 μL以上

【納期】

• 応相談

【その他】

- PacBio Revio の SPRQ(スパーク)試薬では、ムービータイム 24 時間で 30x での 検体数とフローセルに相当するセルとの関係は1セル1検体相当になります。
- その他ご要望がございましたら、お気軽にご連絡ください。

【納品物】

- HiFi_readファイル、作業報告書
- ・ その他の解析なども可能ですのでお気軽にご連絡ください。



株式会社ハプロファーマ **HaploPharma Inc.** 「中央研究所・解析センター」

〒980 – 8573 宮城県仙台市青葉区 星陵町2-1

東北大学医学部 5号館 1F

TEL: 022-272-2275 FAX: 022-272-2276

techservice@haplopharma.com

Sept. 2025